

```

cttggcatta tgctctgtgc tgggggtatt cttgacagca ttcgtgatgg gagtggttat 60
caaatttcgc aacaccccaa ttgttaaggc cacaaacaga gagctatcct acctcctcct 120
gttctcactc atctgctggt tctccagttc cctcatcttc attggtgaac ccaggactg 180
gacatgccgt ctaagccagc ctgcattcgg gataagtttt gttctctgca tctcctgcat 240
cctggtaaaa actaaccgag tacttctagt gttcgaagcc aagatcccca ccagtctcca 300
tcgtaagtgg tgggggctaa acttgcagtt cctgttagtg ttctgtttca catttggtgca 360
agtgatgata tgtgtggtct ggctttacaa tgctcctccg gcgagctaca ggaaccatga 420
cattgatgag ataattttca ttacatgcaa tgagggtctc atgatggcgc ttggcttcct 480
aattgggtac acatgcctgc tggcagccat atrcttcttc tttgcattta aatcacgaaa 540
actgccagag aactttactg aggctaagtt catcaccttc agcatgctca tctt 594
  
```

```

Leu Ala Leu Cys Ser Val Leu Gly Val Phe Leu Thr Ala Phe Val Met
 1          5          10          15
Gly Val Phe Ile Lys Phe Arg Asn Thr Pro Ile Val Lys Ala Thr Asn
          20          25          30
Arg Glu Leu Ser Tyr Leu Leu Leu Phe Ser Leu Ile Cys Cys Phe Ser
          35          40          45
Ser Ser Leu Ile Phe Ile Gly Glu Pro Gln Asp Trp Thr Cys Arg Leu
          50          55          60
Arg Gln Pro Ala Phe Gly Ile Ser Phe Val Leu Cys Ile Ser Cys Ile
          65          70          75          80
Leu Val Lys Thr Asn Arg Val Leu Leu Val Phe Glu Ala Lys Ile Pro
          85          90          95
Thr Ser Leu His Arg Lys Trp Trp Gly Leu Asn Leu Gln Phe Leu Leu
          100          105          110
Val Phe Leu Phe Thr Phe Val Gln Val Met Ile Cys Val Val Trp Leu
          115          120          125
Tyr Asn Ala Pro Pro Ala Ser Tyr Arg Asn His Asp Ile Xaa Asp Glu
          130          135          140
Ile Ile Phe Ile Thr Cys Asn Glu Gly Ser Met Met Ala Leu Gly Phe
          145          150          155          160
Leu Ile Gly Tyr Thr Cys Leu Leu Ala Ala Ile Xaa Phe Phe Phe Ala
          165          170          175
Phe Lys Ser Arg Lys Leu Pro Glu Asn Phe Thr Glu Ala Lys Phe Ile
          180          185          190
Thr Phe Ser Met Leu Ile Phe
          195
  
```

Xaa=any amino acid

FIG. 1

```

cttggcatta tgcctctgtgc tgggggtatt cttgacagca ttcgtgatgg gagtgtttat 60
cagatttcgc aacaccccaa ttgttaaggc cacaacaga gagctatcct acctcctoct 120
gttctcactc atctgctgtt tctccagctc cctcatcttc attggtgaac cccaggactg 180
gacatgccgt ctacgccagc ctgcattcgg gataagtttt gttctctgca tctcctgcat 240
cctgggtcaaa actaaccgag tacttctagt gttcgaagcc aagatcccca ccagtctcca 300
tcgtaagtgg tgggggctaa acttgcagtt cctggttggtg ttcctgttca catttgtgca 360
agtgatgata tgtgtggtct ggctttacaa tgctcctccg gcgagctaca ggaaccatga 420
cattgatgag ataattttca ttacatgcaa tgagggtctc atgatggcgc tcggcttctc 480
aattgggtac acatgcctgc tggcagccat atgcttcttc tttgcattta aatcacgaaa 540
actgccagag aactttaccg aggctaagtt catcaccttc agcatgctca tctt 594

```

```

Leu Ala Leu Cys Ser Val Leu Gly Val Phe Leu Thr Ala Phe Val Met
 1           5           10           15
Gly Val Phe Ile Arg Phe Arg Asn Thr Pro Ile Val Lys Ala Thr Asn
          20           25           30
Arg Glu Leu Ser Tyr Leu Leu Leu Phe Ser Leu Ile Cys Cys Phe Ser
          35           40           45
Ser Ser Leu Ile Phe Ile Gly Glu Pro Gln Asp Trp Thr Cys Arg Leu
          50           55           60
Arg Gln Pro Ala Phe Gly Ile Ser Phe Val Leu Cys Ile Ser Cys Ile
65           70           75           80
Leu Val Lys Thr Asn Arg Val Leu Leu Val Phe Glu Ala Lys Ile Pro
          85           90           95
Thr Ser Leu His Arg Lys Trp Trp Gly Leu Asn Leu Gln Phe Leu Leu
          100          105          110
Val Phe Leu Phe Thr Phe Val Gln Val Met Ile Cys Val Val Trp Leu
          115          120          125
Tyr Asn Ala Pro Pro Ala Ser Tyr Arg Asn His Asp Ile Xaa Asp Glu
130          135          140
Ile Ile Phe Ile Thr Cys Asn Glu Gly Ser Met Met Ala Leu Gly Phe
145          150          155          160
Leu Ile Gly Tyr Thr Cys Leu Leu Ala Ala Ile Cys Phe Phe Phe Ala
          165          170          175
Phe Lys Ser Arg Lys Leu Pro Glu Asn Phe Thr Glu Ala Lys Phe Ile
          180          185          190
Thr Phe Ser Met Leu Ile Phe
          195

```

Xaa = Any amino acid

FIG. 2

```

ttggcattat gctctgtgct ggggggtattc ttgacagtat tctgtgatggg agtgtttatc 60
agatttcgca acaccccaat tgtaaaggcc acaaacagag agctatccta cctcctcctg 120
ttctcactta tctgctgttt ctccagctcc ctcatcttca ttggtgaacc ccaggactgg 180
acatgccgct tacgccagcc tgcattcggg ataagttttg ttctctgcac ctctctgcac 240
ctggtcaaaa ctaaccgagt acttctagtg ttccaagcaa agatccccac cagtctccat 300
cgtaagtggg ggggggctaaa cttgcagttc ctgttggtgt tcctgttcac atttgtgcaa 360
gtgatgatat gtgtgggtctg gctttacaat gctcctccgg cgagctacag gaaccatgac 420
attgatgaga tcattttcat tacatgcaat gagggctcta tgatggcgct tggcttcccta 480
attgggtaca catgcctgct ggcagccata tgcttcttct ttgcatttaa atcacgaaaa 540
ctgccagaga attttaccga ggctaagtcc atcaccttca gcattgctcat ctt 593

```

```

Leu Ala Leu Cys Ser Val Leu Gly Val Phe Leu Thr Val Phe Val Met
1      5      10      15
Gly Val Phe Ile Arg Phe Arg Asn Thr Pro Ile Val Lys Ala Thr Asn
20     25     30
Arg Glu Leu Ser Tyr Leu Leu Leu Phe Ser Leu Ile Cys Cys Phe Ser
35     40     45
Ser Ser Leu Ile Phe Ile Gly Glu Pro Gln Asp Trp Thr Cys Arg Leu
50     55     60
Arg Gln Pro Ala Phe Gly Ile Ser Phe Val Leu Cys Ile Ser Cys Ile
65     70     75     80
Leu Val Lys Thr Asn Arg Val Leu Leu Val Phe Glu Ala Lys Ile Pro
85     90     95
Thr Ser Leu His Arg Lys Trp Trp Gly Leu Asn Leu Gln Phe Leu Leu
100    105    110
Val Phe Leu Phe Thr Phe Val Gln Val Met Ile Cys Val Val Trp Leu
115    120    125
Tyr Asn Ala Pro Pro Ala Ser Tyr Arg Asn His Asp Ile Xaa Asp Glu
130    135    140
Ile Ile Phe Ile Thr Cys Asn Glu Gly Ser Met Met Ala Leu Gly Phe
145    150    155    160
Leu Ile Gly Tyr Thr Cys Leu Leu Ala Ala Ile Cys Phe Phe Phe Ala
165    170    175
Phe Lys Ser Arg Lys Leu Pro Glu Asn Phe Thr Glu Ala Lys Phe Ile
180    185    190
Thr Phe Ser Met Leu Ile Phe
195

```

Xaa = Any amino acid

FIG. 3

Docket No.: 2213.1004-012
Title: METHODS FOR RAISING...
Inventors: H. William Harris, Jr., *et al.*

--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--	--

FIG. 4A

	170	180
SKCaR ORF	Leu Ile Gly Tyr Thr Cys Leu Leu Ala Ala Ile Cys Phe Phe Phe Ala Phe Lys Ser Arg	538
Salmon ORF	Leu Ile Gly Tyr Thr Cys Leu Leu Ala Ala Ile Ser Phe Phe Phe Ala Phe Lys Ser Arg	535
Arctic char ORF	Leu Ile Gly Tyr Thr Cys Leu Leu Ala Ala Ile Cys Phe Phe Phe Ala Phe Lys Ser Arg	535
R. Trout ORF	Leu Ile Gly Tyr Thr Cys Leu Leu Ala Ala Ile Cys Phe Phe Phe Ala Phe Lys Ser Arg	535
	190	
SKCaR ORF	Lys Leu Pro Glu Asn Phe Asn Glu Ala Lys Phe Ile Thr Phe Ser Met Leu Ile Phe	595
Salmon ORF	Lys Leu Pro Glu Asn Phe Thr Glu Ala Lys Phe Ile Thr Phe Ser Met Leu Ile Phe	592
Arctic char ORF	Lys Leu Pro Glu Asn Phe Thr Glu Ala Lys Phe Ile Thr Phe Ser Met Leu Ile Phe	592
R. Trout ORF	Lys Leu Pro Glu Asn Phe Thr Glu Ala Lys Phe Ile Thr Phe Ser Met Leu Ile Phe	592

Decoration 'Decoration #1': Box residues that match SKCaR ORF exactly.

FIG. 4B

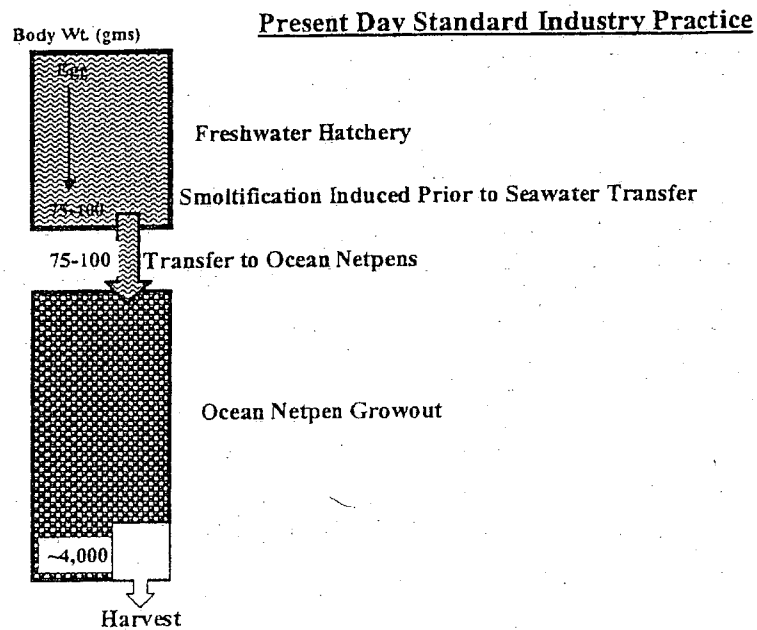


FIG. 5

Docket No.: 2213.1004-012
Title: METHODS FOR RAISING...
Inventors: H. William Harris, Jr., *et al.*

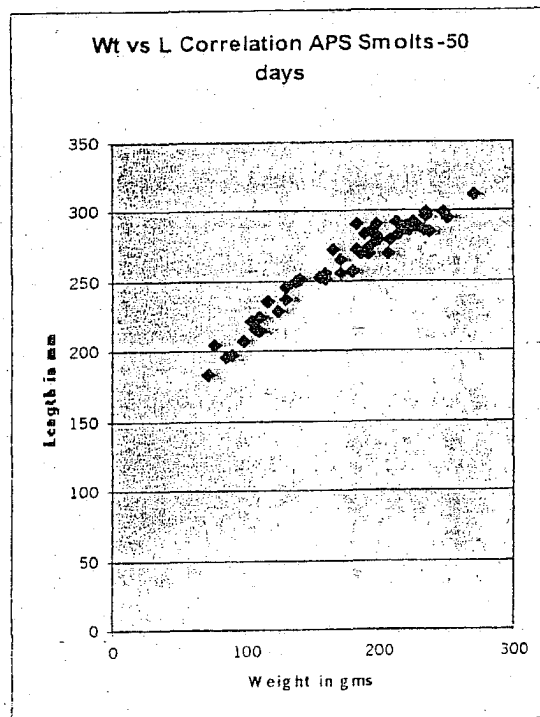


FIG. 6

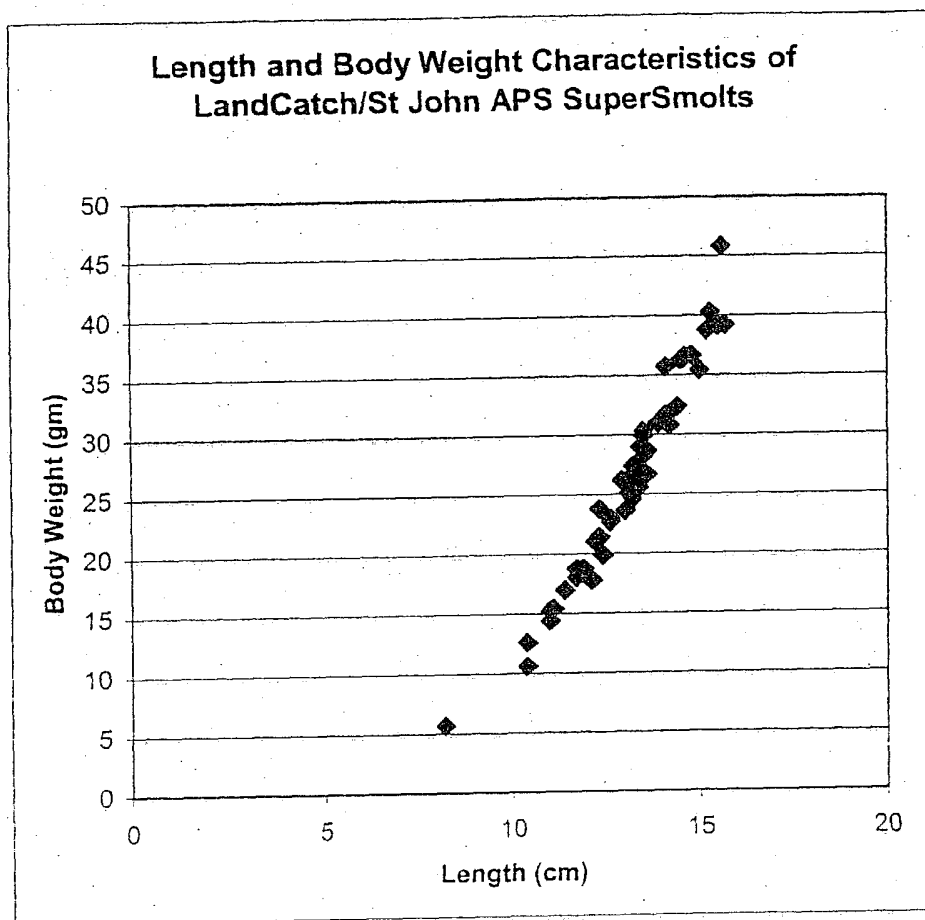


FIG. 7

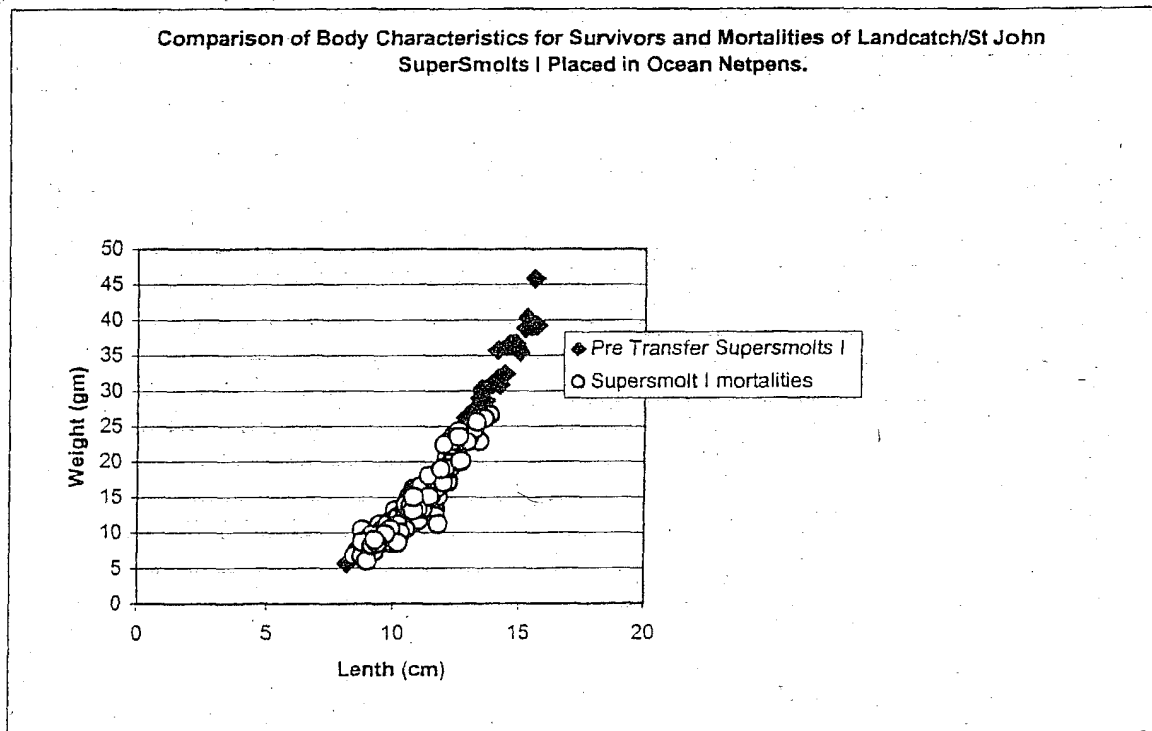


FIG. 8

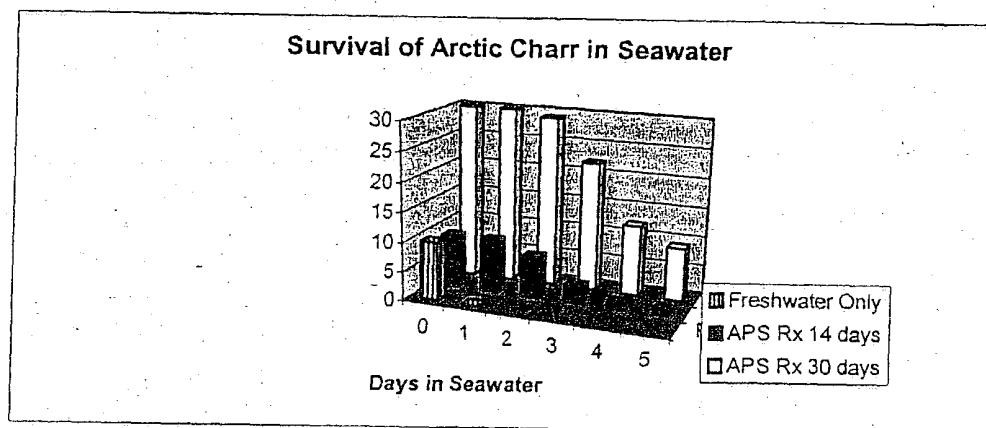


FIG. 9

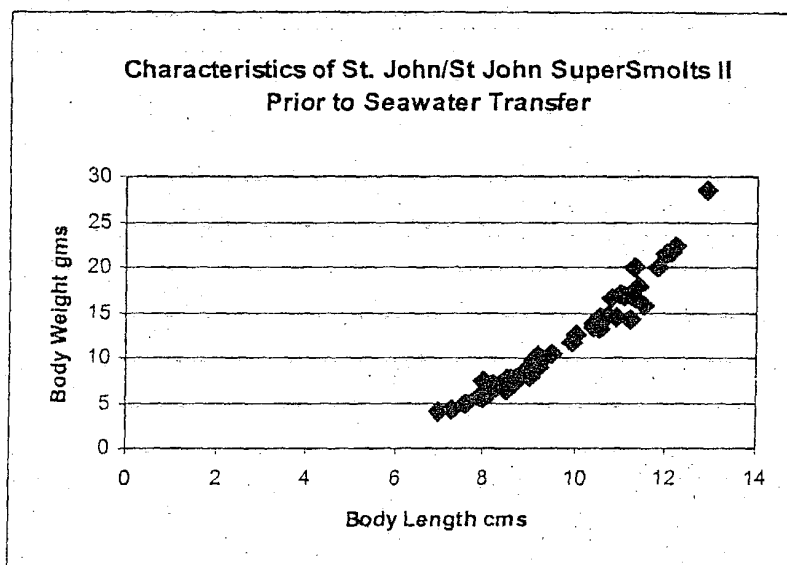


FIG. 10

FIG. 11A

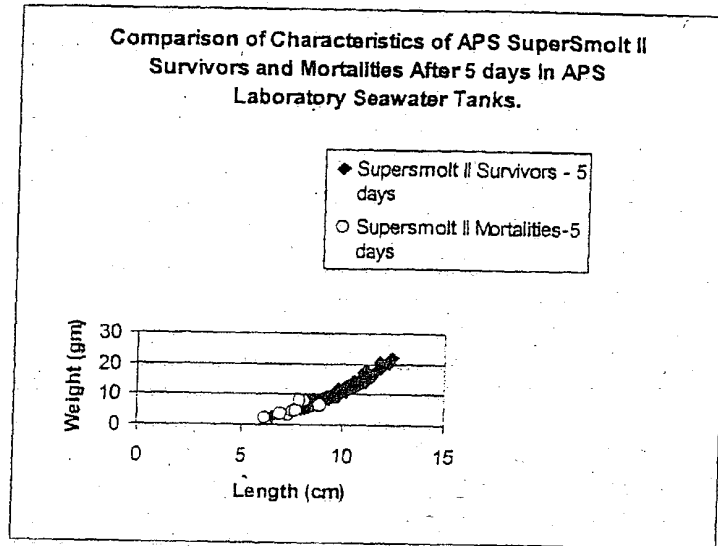
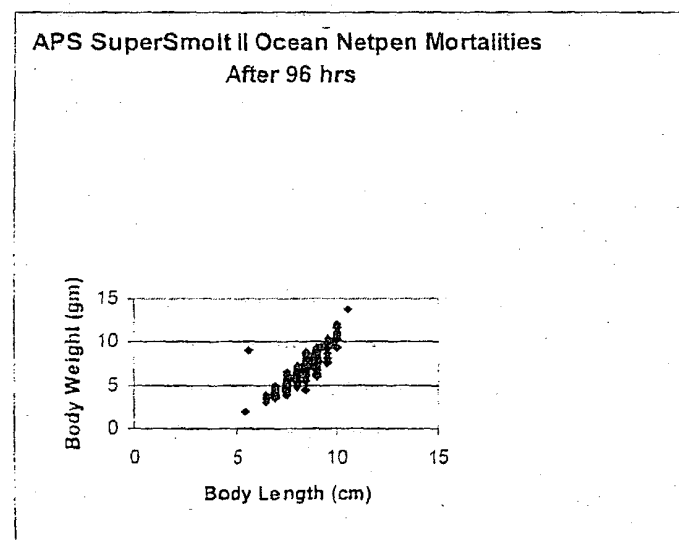


FIG. 11B



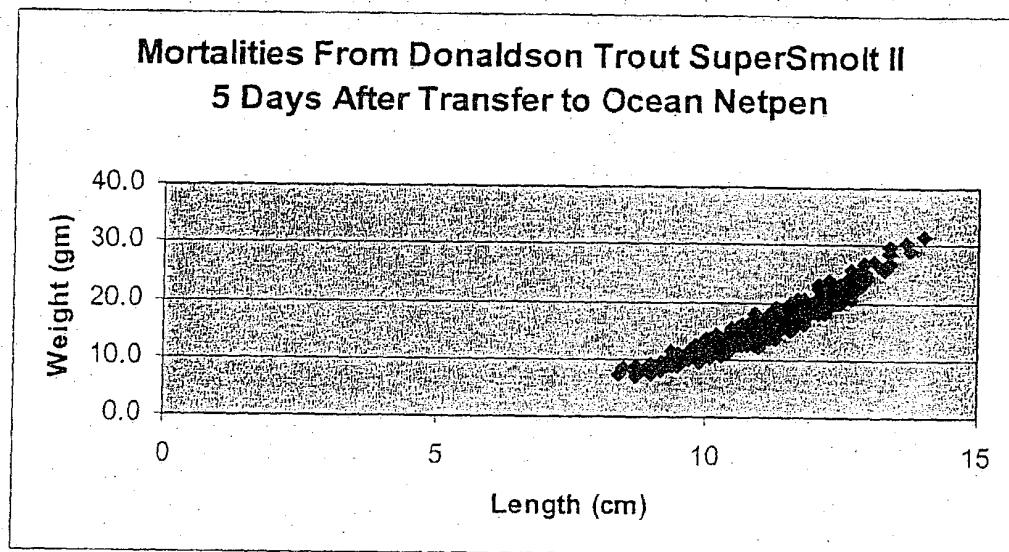


FIG. 12

FIG. 13A



FIG. 13B

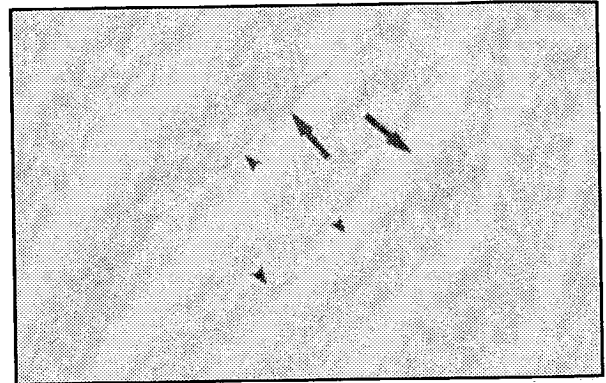


FIG. 13C



FIG. 13D



FIG. 13E



FIG. 13F



FIG. 13G



FIG. 14

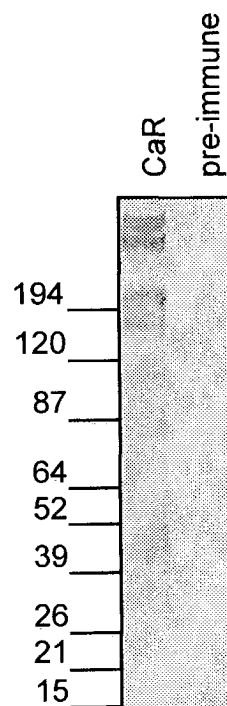


FIG. 15

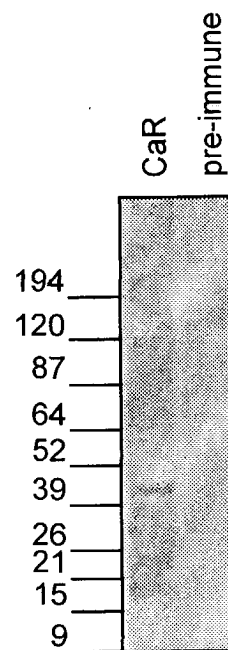


FIG. 17

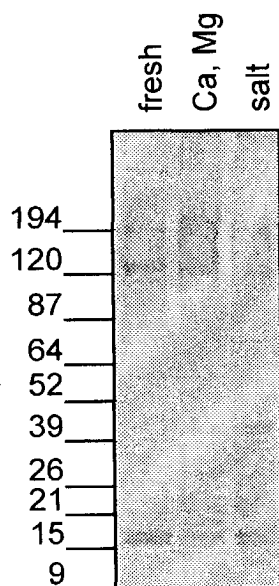


FIG. 16A



FIG. 16B



FIG. 16C



FIG. 16D



FIG. 16E



FIG. 16F



FIG. 16G



FIG. 16H



FIG. 18A

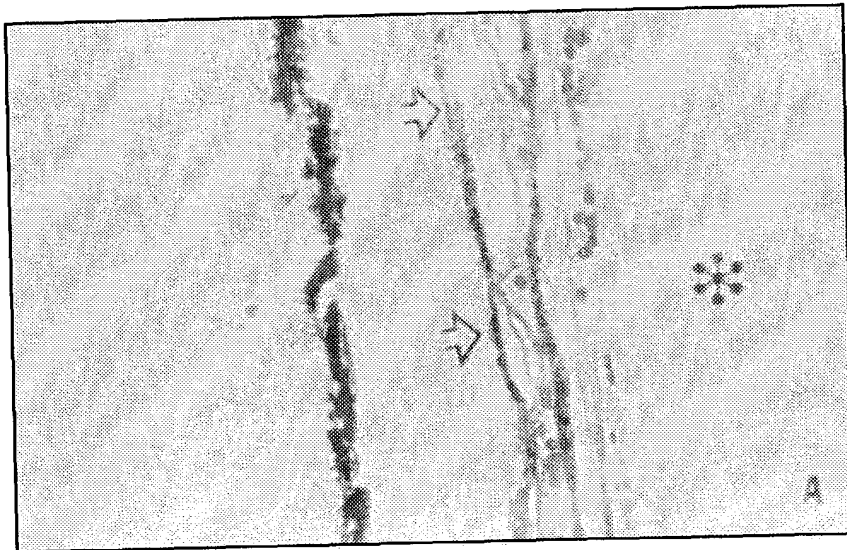


FIG. 18B

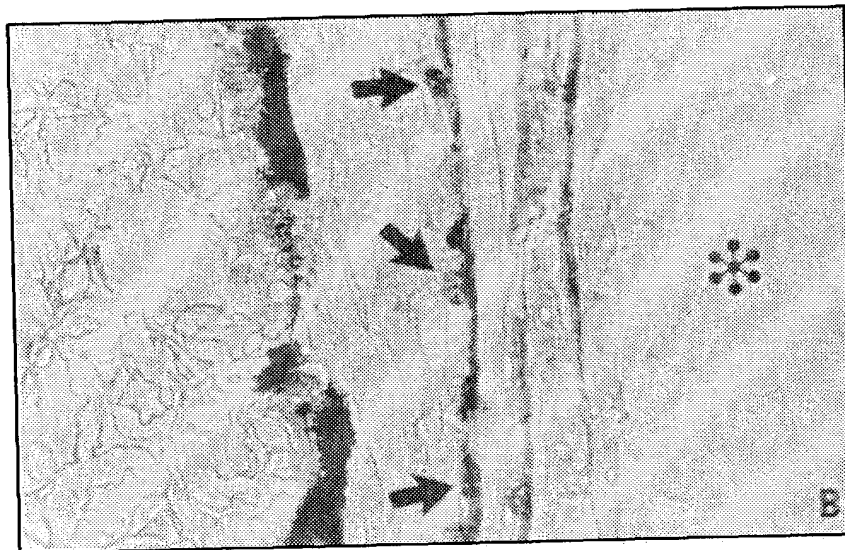


FIG. 18C



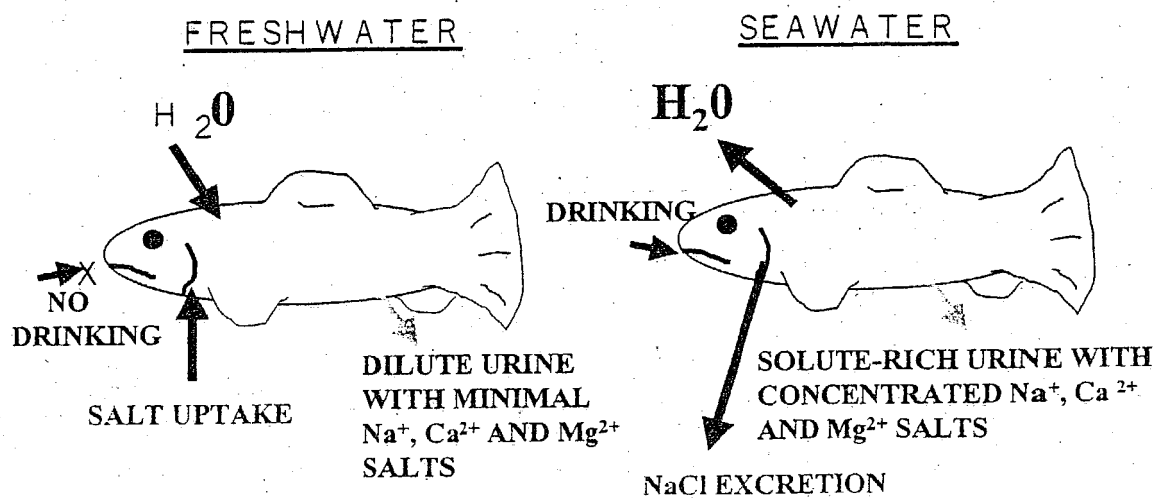


FIG. 19

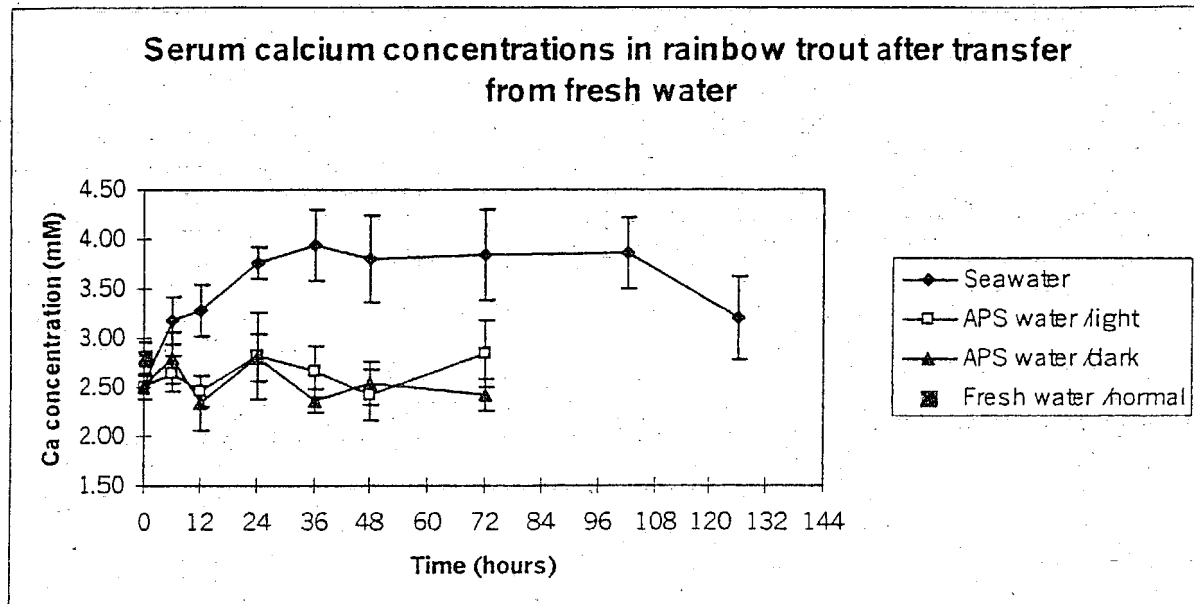


FIG. 20

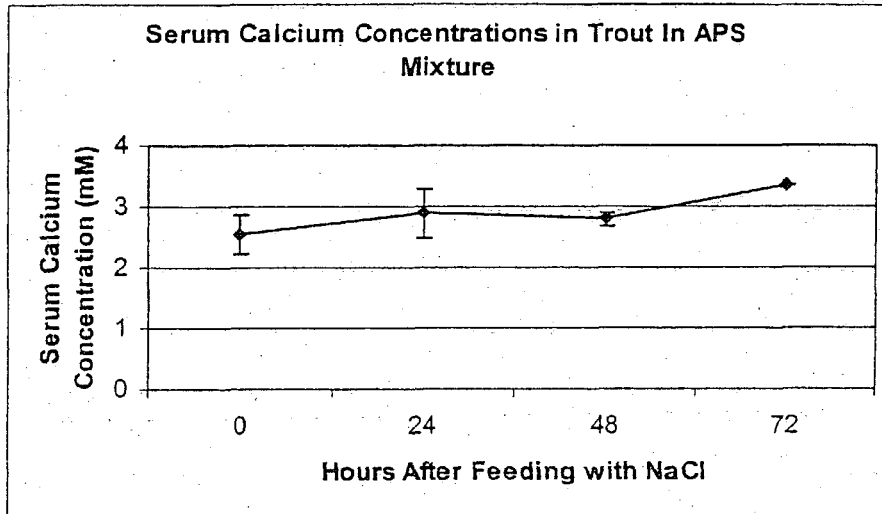


FIG. 21

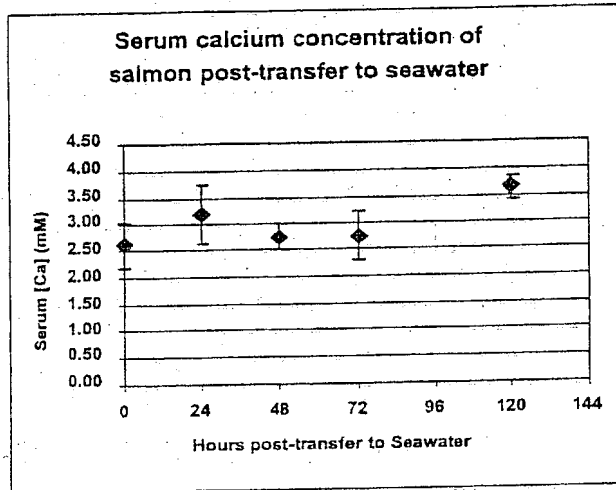


FIG. 22A

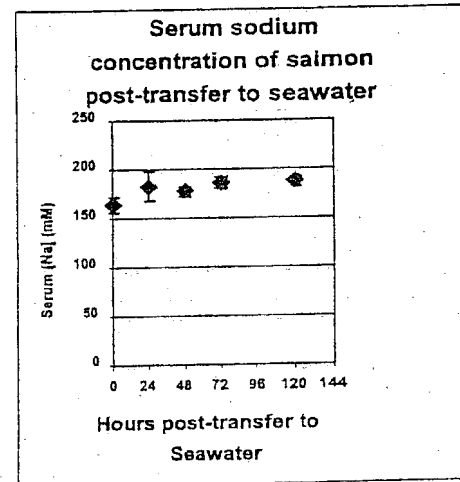


FIG. 22B

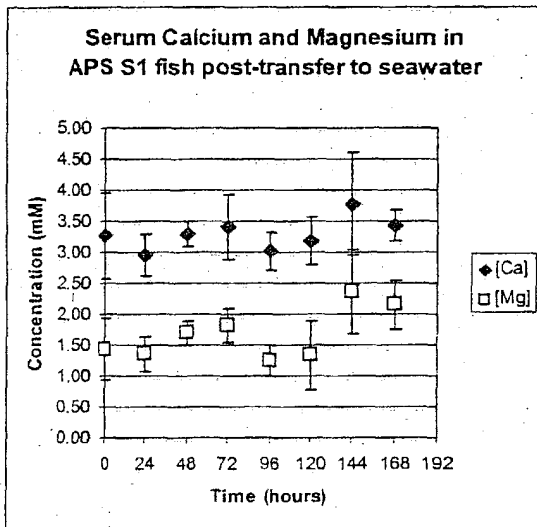


FIG. 23A

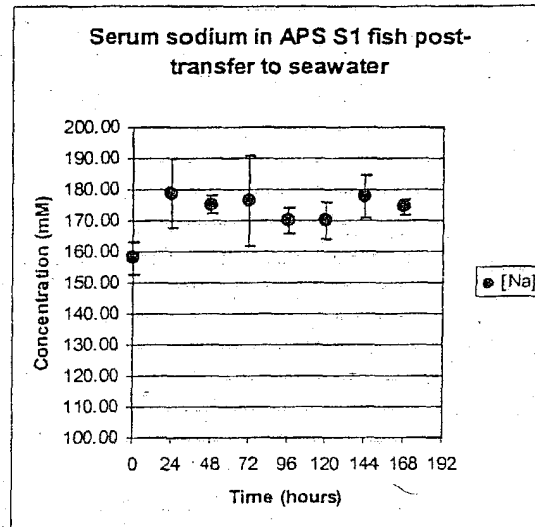


FIG. 23B

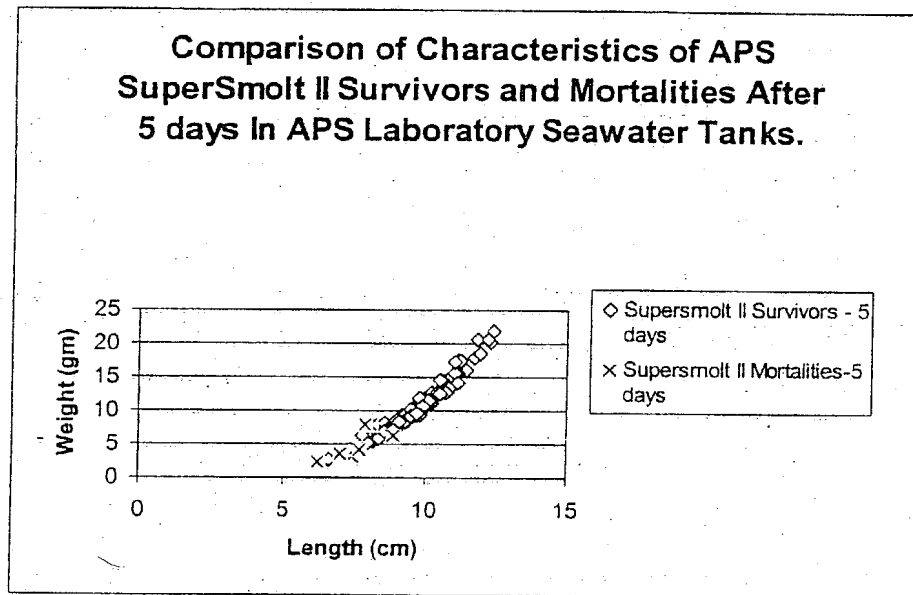


FIG. 24

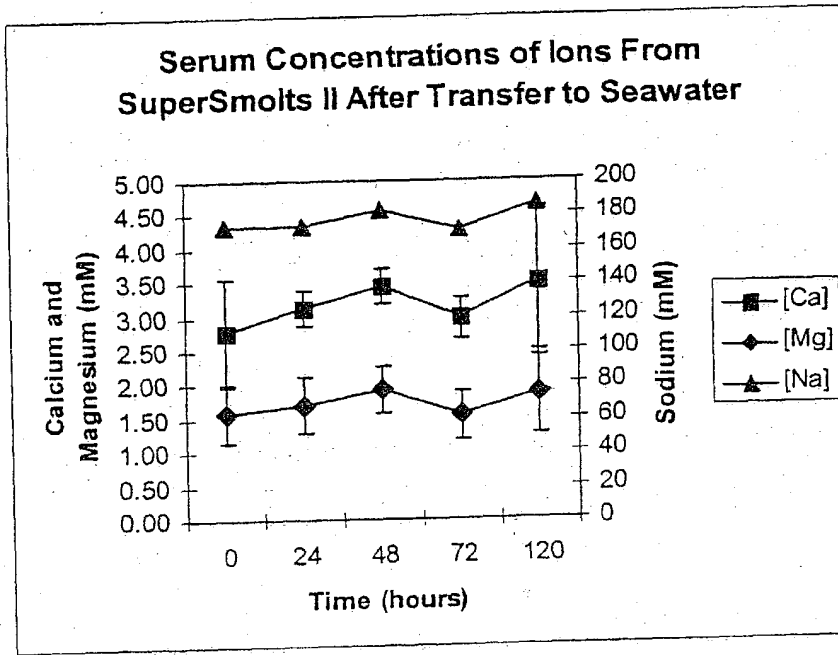


FIG. 25

FIG. 26A

10	20	30	40	
CTTGGGCATTATGCTCTGTGCTGGGGGGTATTCTTGACAGCA	Atlantic Salmon			
CTTGGGCATTATGCTCTGTGCTGGGGGGTATTCTTGACAGCA	Char			
CTTGGGCATTATGCTCTGTGCTGGGGGGTATTCTTGACAGCA	Chum Salmon			
CTTGGGCATTATGCTCTGTGCTGGGGGGTATTCTTGACAGCA	Coho Salmon			
CTTGGGCATTATGCTCTGTGCTGGGGGGTATTCTTGACAGCA	King Salmon			
CTTGGGCATTATGCTCTGTGCTGGGGGGTATTCTTGACAGCA	Pink Salmon			
CTTGGGCATTATGCTCTGTGCTGGGGGGTATTCTTGACAGCA	Sockeye Salmon			
CTTGGGCATTATGCTCTGTGCTGGGGGGTATTCTTGACAGCA	Trout			
50	60	70	80	
TTCGTGATGGGAGTGTTTATCAGATTTCGCAACACCCCAA	Atlantic Salmon			
TTCGTGATGGGAGTGTTTATCAGATTTCGCAACACCCCAA	Char			
TTCGTGATGGGAGTGTTTATCAGATTTCGCAACACCCCAA	Chum Salmon			
TTCGTGATGGGAGTGTTTATCAGATTTCGCAACACCCCAA	Coho Salmon			
TTCGTGATGGGAGTGTTTATCAGATTTCGCAACACCCCAA	King Salmon			
TTCGTGATGGGAGTGTTTATCAGATTTCGCAACACCCCAA	Pink Salmon			
TTCGTGATGGGAGTGTTTATCAGATTTCGCAACACCCCAA	Sockeye Salmon			
TTCGTGATGGGAGTGTTTATCAGATTTCGCAACACCCCAA	Trout			
90	100	110	120	
TTGTTAAGGCCACAAACAGAGAGCTATCCTACCTCCTCCT	Atlantic Salmon			
TTGTTAAGGCCACAAACAGAGAGCTATCCTACCTCCTCCT	Char			
TTGTTAAGGCCACAAACAGAGAGCTATCCTACCTCCTCCT	Chum Salmon			
TTGTTAAGGCCACAAACAGAGAGCTATCCTACCTCCTCCT	Coho Salmon			
TTGTTAAGGCCACAAACAGAGAGCTATCCTACCTCCTCCT	King Salmon			
TTGTTAAGGCCACAAACAGAGAGCTATCCTACCTCCTCCT	Pink Salmon			
TTGTTAAGGCCACAAACAGAGAGCTATCCTACCTCCTCCT	Sockeye Salmon			
TTGTTAAGGCCACAAACAGAGAGCTATCCTACCTCCTCCT	Trout			
130	140	150	160	
GTTCTCACTTATCTGCTGTTTCTCCAGCTCCCTCATCTTC	Atlantic Salmon			
GTTCTCACTTATCTGCTGTTTCTCCAGCTCCCTCATCTTC	Char			
GTTCTCACTTATCTGCTGTTTCTCCAGCTCCCTCATCTTC	Chum Salmon			
GTTCTCACTTATCTGCTGTTTCTCCAGCTCCCTCATCTTC	Coho Salmon			
GTTCTCACTTATCTGCTGTTTCTCCAGCTCCCTCATCTTC	King Salmon			
GTTCTCACTTATCTGCTGTTTCTCCAGCTCCCTCATCTTC	Pink Salmon			
GTTCTCACTTATCTGCTGTTTCTCCAGCTCCCTCATCTTC	Sockeye Salmon			
GTTCTCACTTATCTGCTGTTTCTCCAGCTCCCTCATCTTC	Trout			
170	180	190	200	
ATTGGTGAAACCCAGGACTGGGACATGCCGTCTACGCCAGC	Atlantic Salmon			
ATTGGTGAAACCCAGGACTGGGACATGCCGTCTACGCCAGC	Char			
ATTGGTGAAACCCAGGACTGGGACATGCCGTCTACGCCAGC	Chum Salmon			
ATTGGTGAAACCCAGGACTGGGACATGCCGTCTACGCCAGC	Coho Salmon			
ATTGGTGAAACCCAGGACTGGGACATGCCGTCTACGCCAGC	King Salmon			
ATTGGTGAAACCCAGGACTGGGACATGCCGTCTACGCCAGC	Pink Salmon			
ATTGGTGAAACCCAGGACTGGGACATGCCGTCTACGCCAGC	Sockeye Salmon			
ATTGGTGAAACCCAGGACTGGGACATGCCGTCTACGCCAGC	Trout			

FIG. 26B

210	220	230	240	
CTGCATTTCGGGATAAGTTTGTCTCTGCATCTCCTGCAT				Atlantic Salmon
CTGCATTTCGGGATAAGTTTGTCTCTGCATCTCCTGCAT				Char
CTGCATTTCGGGATAAGTTTGTCTCTGCATCTCCTGCAT				Chum Salmon
CTGCATTTCGGGATAAGTTTGTCTCTGCATCTCCTGCAT				Coho Salmon
CTGCATTTCGGGATAAGTTTGTCTCTGCATCTCCTGCAT				King Salmon
CTGCATTTCGGGATAAGTTTGTCTCTGCATCTCCTGCAT				Pink Salmon
CTGCATTTCGGGATAAGTTTGTCTCTGCATCTCCTGCAT				Sockeye Salmon
CTGCATTTCGGGATAAGTTTGTCTCTGCATCTCCTGCAT				Trout
250	260	270	280	
CCTGGTCAAAAACCTAACCGAGTACTTCTAGTGTTTCGAAGCA				Atlantic Salmon
CCTGGTCAAAAACCTAACCGAGTACTTCTAGTGTTTCGAAGCA				Char
CCTGGTCAAAAACCTAACCGAGTACTTCTAGTGTTTCGAAGCA				Chum Salmon
CCTGGTCAAAAACCTAACCGAGTACTTCTAGTGTTTCGAAGCA				Coho Salmon
CCTGGTCAAAAACCTAACCGAGTACTTCTAGTGTTTCGAAGCA				King Salmon
CCTGGTCAAAAACCTAACCGAGTACTTCTAGTGTTTCGAAGCA				Pink Salmon
CCTGGTCAAAAACCTAACCGAGTACTTCTAGTGTTTCGAAGCA				Sockeye Salmon
CCTGGTCAAAAACCTAACCGAGTACTTCTAGTGTTTCGAAGCA				Trout
290	300	310	320	
AAGATCCCCACCAAGTCTCCATCGTAAGTG GTGGGGGCTAA				Atlantic Salmon
AAGATCCCCACCAAGTCTCCATCGTAAGTG GTGGGGGCTAA				Char
AAGATCCCCACCAAGTCTCCATCGTAAGTG GTGGGGGCTAA				Chum Salmon
AAGATCCCCACCAAGTCTCCATCGTAAGTG GTGGGGGCTAA				Coho Salmon
AAGATCCCCACCAAGTCTCCATCGTAAGTG GTGGGGGCTAA				King Salmon
AAGATCCCCACCAAGTCTCCATCGTAAGTG GTGGGGGCTAA				Pink Salmon
AAGATCCCCACCAAGTCTCCATCGTAAGTG GTGGGGGCTAA				Sockeye Salmon
AAGATCCCCACCAAGTCTCCATCGTAAGTG GTGGGGGCTAA				Trout
330	340	350	360	
ACTTGCAAGTTTCTGTGTTAGTGTTCCTGTTTACATTTGTGCA				Atlantic Salmon
ACTTGCAAGTTTCTGTGTTAGTGTTCCTGTTTACATTTGTGCA				Char
ACTTGCAAGTTTCTGTGTTAGTGTTCCTGTTTACATTTGTGCA				Chum Salmon
ACTTGCAAGTTTCTGTGTTAGTGTTCCTGTTTACATTTGTGCA				Coho Salmon
ACTTGCAAGTTTCTGTGTTAGTGTTCCTGTTTACATTTGTGCA				King Salmon
ACTTGCAAGTTTCTGTGTTAGTGTTCCTGTTTACATTTGTGCA				Pink Salmon
ACTTGCAAGTTTCTGTGTTAGTGTTCCTGTTTACATTTGTGCA				Sockeye Salmon
ACTTGCAAGTTTCTGTGTTAGTGTTCCTGTTTACATTTGTGCA				Trout
370	380	390	400	
AGTGATGATATGTGTGGTCTGGCTTTTACAATGCTCCTCCG				Atlantic Salmon
AGTGATGATATGTGTGGTCTGGCTTTTACAATGCTCCTCCG				Char
AGTGATGATATGTGTGGTCTGGCTTTTACAATGCTCCTCCG				Chum Salmon
AGTGATGATATGTGTGGTCTGGCTTTTACAATGCTCCTCCG				Coho Salmon
AGTGATGATATGTGTGGTCTGGCTTTTACAATGCTCCTCCG				King Salmon
AGTGATGATATGTGTGGTCTGGCTTTTACAATGCTCCTCCG				Pink Salmon
AGTGATGATATGTGTGGTCTGGCTTTTACAATGCTCCTCCG				Sockeye Salmon
AGTGATGATATGTGTGGTCTGGCTTTTACAATGCTCCTCCG				Trout

410	420	430	440	
GCGAGGCTACAGGAACCATGACATTGATGAGAT	A	ATTTTCA	Atlantic Salmon	
GCGAGGCTACAGGAACCATGACATTGATGAGAT	A	ATTTTCA	Char	
GCGAGGCTACAGGAACCATGACATTGATGAGAT	C	ATTTTCA	Chum Salmon	
GCGAGGCTACAGGAACCATGACATTGATGAGAT	C	ATTTTCA	Coho Salmon	
GCGAGGCTACAGGAACCATGACATTGATGAGAT	C	ATTTTCA	King Salmon	
GCGAGGCTACAGGAACCATGACATTGATGAGAT	A	ATTTTCA	Pink Salmon	
GCGAGGCTACAGGAACCATGACATTGATGAGAT	A	ATTTTCA	Sockeye Salmon	
GCGAGGCTACAGGAACCATGACATTGATGAGAT	C	ATTTTCA	Trout	
450	460	470	480	
TTACATGCAATGAGGGCTCTATGATGGCGCTTGGCTTCT	C	Atlantic Salmon		
TTACATGCAATGAGGGCTCTATGATGGCGCTTGGCTTCT	C	Char		
TTACATGCAATGAGGGCTCTATGATGGCGCTTGGCTTCT	C	Chum Salmon		
TTACATGCAATGAGGGCTCTATGATGGCGCTTGGCTTCT	C	Coho Salmon		
TTACATGCAATGAGGGCTCTATGATGGCGCTTGGCTTCT	C	King Salmon		
TTACATGCAATGAGGGCTCTATGATGGCGCTTGGCTTCT	C	Pink Salmon		
TTACATGCAATGAGGGCTCTATGATGGCGCTTGGCTTCT	C	Sockeye Salmon		
TTACATGCAATGAGGGCTCTATGATGGCGCTTGGCTTCT	C	Trout		
490	500	510	520	
AATTGGGTACACATGCTGCTGGCAGCCATAT	G	CTTCTTC	Atlantic Salmon	
AATTGGGTACACATGCTGCTGGCAGCCATAT	G	CTTCTTC	Char	
AATTGGGTACACATGCTGCTGGCAGCCATAT	G	CTTCTTC	Chum Salmon	
AATTGGGTACACATGCTGCTGGCAGCCATAT	G	CTTCTTC	Coho Salmon	
AATTGGGTACACATGCTGCTGGCAGCCATAT	G	CTTCTTC	King Salmon	
AATTGGGTACACATGCTGCTGGCAGCCATAT	G	CTTCTTC	Pink Salmon	
AATTGGGTACACATGCTGCTGGCAGCCATAT	G	CTTCTTC	Sockeye Salmon	
AATTGGGTACACATGCTGCTGGCAGCCATAT	G	CTTCTTC	Trout	
530	540	550	560	
TTTGCATTTTAAATCACGAAAACTGCCAGAGAA	A	TTTACCG	Atlantic Salmon	
TTTGCATTTTAAATCACGAAAACTGCCAGAGAA	A	TTTACCG	Char	
TTTGCATTTTAAATCACGAAAACTGCCAGAGAA	A	TTTACCG	Chum Salmon	
TTTGCATTTTAAATCACGAAAACTGCCAGAGAA	A	TTTACCG	Coho Salmon	
TTTGCATTTTAAATCACGAAAACTGCCAGAGAA	A	TTTACCG	King Salmon	
TTTGCATTTTAAATCACGAAAACTGCCAGAGAA	A	TTTACCG	Pink Salmon	
TTTGCATTTTAAATCACGAAAACTGCCAGAGAA	A	TTTACCG	Sockeye Salmon	
TTTGCATTTTAAATCACGAAAACTGCCAGAGAA	A	TTTACCG	Trout	
570	580	590		
AGGCTAAGTTTCATCACCTTTCAGCATGCTCATCTT			Atlantic Salmon	
AGGCTAAGTTTCATCACCTTTCAGCATGCTCATCTT			Char	
AGGCTAAGTTTCATCACCTTTCAGCATGCTCATCTT			Chum Salmon	
AGGCTAAGTTTCATCACCTTTCAGCATGCTCATCTT			Coho Salmon	
AGGCTAAGTTTCATCACCTTTCAGCATGCTCATCTT			King Salmon	
AGGCTAAGTTTCATCACCTTTCAGCATGCTCATCTT			Pink Salmon	
AGGCTAAGTTTCATCACCTTTCAGCATGCTCATCTT			Sockeye Salmon	
AGGCTAAGTTTCATCACCTTTCAGCATGCTCATCTT			Trout	

Decoration 'Decoration #1': Shade (with black at 40% fill) residues that differ from the Consensus.

FIG. 26C

Docket No.: 2213.1004-012
 Title: METHODS FOR RAISING...
 Inventors: H. William Harris, Jr., *et al.*

	10										20										
1	Leu	Ala	Leu	Cys	Ser	Val	Leu	Gly	Val	Phe	Leu	Thr	Ala	Phe	Val	Met	Gly	Val	Phe	Ile	Atlantic Salmon ORF
1	Leu	Ala	Leu	Cys	Ser	Val	Leu	Gly	Val	Phe	Leu	Thr	Ala	Phe	Val	Met	Gly	Val	Phe	Ile	Char ORF
1	Leu	Ala	Leu	Cys	Ser	Val	Leu	Gly	Val	Phe	Leu	Thr	Ala	Phe	Val	Met	Gly	Val	Phe	Ile	Chum Salmon ORF
1	Leu	Ala	Leu	Cys	Ser	Val	Leu	Gly	Val	Phe	Leu	Thr	Ala	Phe	Val	Met	Gly	Val	Phe	Ile	Coho Salmon ORF
1	Leu	Ala	Leu	Cys	Ser	Val	Leu	Gly	Val	Phe	Leu	Thr	Ala	Phe	Val	Met	Gly	Val	Phe	Ile	King Salmon ORF
1	Leu	Ala	Leu	Cys	Ser	Val	Leu	Gly	Val	Phe	Leu	Thr	Ala	Phe	Val	Met	Gly	Val	Phe	Ile	Pink Salmon ORF
1	Leu	Ala	Leu	Cys	Ser	Val	Leu	Gly	Val	Phe	Leu	Thr	Ala	Phe	Val	Met	Gly	Val	Phe	Ile	Sockeye Salmon ORF
1	Leu	Ala	Leu	Cys	Ser	Val	Leu	Gly	Val	Phe	Leu	Thr	Ala	Phe	Val	Met	Gly	Val	Phe	Ile	Trout ORF
	30										40										
61	Lys	Phe	Arg	Asn	Thr	Pro	Ile	Val	Lys	Ala	Thr	Asn	Arg	Glu	Leu	Ser	Tyr	Leu	Leu	Leu	Atlantic Salmon ORF
61	Arg	Phe	Arg	Asn	Thr	Pro	Ile	Val	Lys	Ala	Thr	Asn	Arg	Glu	Leu	Ser	Tyr	Leu	Leu	Leu	Char ORF
61	Arg	Phe	Arg	Asn	Thr	Pro	Ile	Val	Lys	Ala	Thr	Asn	Arg	Glu	Leu	Ser	Tyr	Leu	Leu	Leu	Chum Salmon ORF
61	Arg	Phe	Arg	Asn	Thr	Pro	Ile	Val	Lys	Ala	Thr	Asn	Arg	Glu	Leu	Ser	Tyr	Leu	Leu	Leu	Coho Salmon ORF
61	Arg	Phe	Arg	Asn	Thr	Pro	Ile	Val	Lys	Ala	Thr	Asn	Arg	Glu	Leu	Ser	Tyr	Leu	Leu	Leu	King Salmon ORF
61	Arg	Phe	Arg	Asn	Thr	Pro	Ile	Val	Lys	Ala	Thr	Asn	Arg	Glu	Leu	Ser	Tyr	Leu	Leu	Leu	Pink Salmon ORF
61	Arg	Phe	Arg	Asn	Thr	Pro	Ile	Val	Lys	Ala	Thr	Asn	Arg	Glu	Leu	Ser	Tyr	Leu	Leu	Leu	Sockeye Salmon ORF
61	Arg	Phe	Arg	Asn	Thr	Pro	Ile	Val	Lys	Ala	Thr	Asn	Arg	Glu	Leu	Ser	Tyr	Leu	Leu	Leu	Trout ORF
	50										60										
121	Phe	Ser	Leu	Ile	Cys	Cys	Phe	Ser	Ser	Ser	Leu	Ile	Phe	Ile	Gly	Glu	Pro	Gln	Asp	Trp	Atlantic Salmon ORF
121	Phe	Ser	Leu	Ile	Cys	Cys	Phe	Ser	Ser	Ser	Leu	Ile	Phe	Ile	Gly	Glu	Pro	Gln	Asp	Trp	Char ORF
121	Phe	Ser	Leu	Ile	Cys	Cys	Phe	Ser	Ser	Ser	Leu	Ile	Phe	Ile	Gly	Glu	Pro	Gln	Asp	Trp	Chum Salmon ORF
121	Phe	Ser	Leu	Ile	Cys	Cys	Phe	Ser	Ser	Ser	Leu	Ile	Phe	Ile	Gly	Glu	Pro	Gln	Asp	Trp	Coho Salmon ORF
121	Phe	Ser	Leu	Ile	Cys	Cys	Phe	Ser	Ser	Ser	Leu	Ile	Phe	Ile	Gly	Glu	Pro	Gln	Asp	Trp	King Salmon ORF
121	Phe	Ser	Leu	Ile	Cys	Cys	Phe	Ser	Ser	Ser	Leu	Ile	Phe	Ile	Gly	Glu	Pro	Gln	Asp	Trp	Pink Salmon ORF
121	Phe	Ser	Leu	Ile	Cys	Cys	Phe	Ser	Ser	Ser	Leu	Ile	Phe	Ile	Gly	Glu	Pro	Gln	Asp	Trp	Sockeye Salmon ORF
121	Phe	Ser	Leu	Ile	Cys	Cys	Phe	Ser	Ser	Ser	Leu	Ile	Phe	Ile	Gly	Glu	Pro	Gln	Asp	Trp	Trout ORF
	70										80										
181	Thr	Cys	Arg	Leu	Arg	Gln	Pro	Ala	Phe	Gly	Ile	Ser	Phe	Val	Leu	Cys	Ile	Ser	Cys	Ile	Atlantic Salmon ORF
181	Thr	Cys	Arg	Leu	Arg	Gln	Pro	Ala	Phe	Gly	Ile	Ser	Phe	Val	Leu	Cys	Ile	Ser	Cys	Ile	Char ORF
181	Thr	Cys	Arg	Leu	Arg	Gln	Pro	Ala	Phe	Gly	Ile	Ser	Phe	Val	Leu	Cys	Ile	Ser	Cys	Ile	Chum Salmon ORF
181	Thr	Cys	Arg	Leu	Arg	Gln	Pro	Ala	Phe	Gly	Ile	Ser	Phe	Val	Leu	Cys	Ile	Ser	Cys	Ile	Coho Salmon ORF
181	Thr	Cys	Arg	Leu	Arg	Gln	Pro	Ala	Phe	Gly	Ile	Ser	Phe	Val	Leu	Cys	Ile	Ser	Cys	Ile	King Salmon ORF
181	Thr	Cys	Arg	Leu	Arg	Gln	Pro	Ala	Phe	Gly	Ile	Ser	Phe	Val	Leu	Cys	Ile	Ser	Cys	Ile	Pink Salmon ORF
181	Thr	Cys	Arg	Leu	Arg	Gln	Pro	Ala	Phe	Gly	Ile	Ser	Phe	Val	Leu	Cys	Ile	Ser	Cys	Ile	Sockeye Salmon ORF
181	Thr	Cys	Arg	Leu	Arg	Gln	Pro	Ala	Phe	Gly	Ile	Ser	Phe	Val	Leu	Cys	Ile	Ser	Cys	Ile	Trout ORF
	90										100										
241	Leu	Val	Lys	Thr	Asn	Arg	Val	Leu	Leu	Val	Phe	Glu	Ala	Lys	Ile	Pro	Thr	Ser	Leu	His	Atlantic Salmon ORF
241	Leu	Val	Lys	Thr	Asn	Arg	Val	Leu	Leu	Val	Phe	Glu	Ala	Lys	Ile	Pro	Thr	Ser	Leu	His	Char ORF
241	Leu	Val	Lys	Thr	Asn	Arg	Val	Leu	Leu	Val	Phe	Glu	Ala	Lys	Ile	Pro	Thr	Ser	Leu	His	Chum Salmon ORF
241	Leu	Val	Lys	Thr	Asn	Arg	Val	Leu	Leu	Val	Phe	Glu	Ala	Lys	Ile	Pro	Thr	Ser	Leu	His	Coho Salmon ORF
241	Leu	Val	Lys	Thr	Asn	Arg	Val	Leu	Leu	Val	Phe	Glu	Ala	Lys	Ile	Pro	Thr	Ser	Leu	His	King Salmon ORF
241	Leu	Val	Lys	Thr	Asn	Arg	Val	Leu	Leu	Val	Phe	Glu	Ala	Lys	Ile	Pro	Thr	Ser	Leu	His	Pink Salmon ORF
241	Leu	Val	Lys	Thr	Asn	Arg	Val	Leu	Leu	Val	Phe	Glu	Ala	Lys	Ile	Pro	Thr	Ser	Leu	His	Sockeye Salmon ORF
241	Leu	Val	Lys	Thr	Asn	Arg	Val	Leu	Leu	Val	Phe	Glu	Ala	Lys	Ile	Pro	Thr	Ser	Leu	His	Trout ORF

FIG. 27A

110															120														
301	Arg	Lys	Trp	Trp	Gly	Leu	Asn	Leu	Gln	Phe	Leu	Leu	Val	Phe	Leu	Phe	Thr	Phe	Val	Gln	Atlantic Salmon ORF								
301	Arg	Lys	Trp	Trp	Gly	Leu	Asn	Leu	Gln	Phe	Leu	Leu	Val	Phe	Leu	Phe	Thr	Phe	Val	Gln	Char ORF								
301	Arg	Lys	Trp	Trp	Gly	Leu	Asn	Leu	Gln	Phe	Leu	Leu	Val	Phe	Leu	Phe	Thr	Phe	Val	Gln	Chum Salmon ORF								
301	Arg	Lys	Trp	Trp	Gly	Leu	Asn	Leu	Gln	Phe	Leu	Leu	Val	Phe	Leu	Phe	Thr	Phe	Val	Gln	Coho Salmon ORF								
301	Arg	Lys	Trp	Trp	Gly	Leu	Asn	Leu	Gln	Phe	Leu	Leu	Val	Phe	Leu	Phe	Thr	Phe	Val	Gln	King Salmon ORF								
301	Arg	Lys	Trp	Trp	Gly	Leu	Asn	Leu	Gln	Phe	Leu	Leu	Val	Phe	Leu	Phe	Thr	Phe	Val	Gln	Pink Salmon ORF								
301	Arg	Lys	Trp	Trp	Gly	Leu	Asn	Leu	Gln	Phe	Leu	Leu	Val	Phe	Leu	Phe	Thr	Phe	Val	Gln	Sockeye Salmon ORF								
301	Arg	Lys	Trp	Trp	Gly	Leu	Asn	Leu	Gln	Phe	Leu	Leu	Val	Phe	Leu	Phe	Thr	Phe	Val	Gln	Trout ORF								
130															140														
361	Val	Met	Ile	Cys	Val	Val	Trp	Leu	Tyr	Asn	Ala	Pro	Pro	Ala	Ser	Tyr	Arg	Asn	His	Asp	Atlantic Salmon ORF								
361	Val	Met	Ile	Cys	Val	Val	Trp	Leu	Tyr	Asn	Ala	Pro	Pro	Ala	Ser	Tyr	Arg	Asn	His	Asp	Char ORF								
361	Val	Met	Ile	Cys	Val	Val	Trp	Leu	Tyr	Asn	Ala	Pro	Pro	Ala	Ser	Tyr	Arg	Asn	His	Asp	Chum Salmon ORF								
361	Val	Met	Ile	Cys	Val	Val	Trp	Leu	Tyr	Asn	Ala	Pro	Pro	Ala	Ser	Tyr	Arg	Asn	His	Asp	Coho Salmon ORF								
361	Val	Met	Ile	Cys	Val	Val	Trp	Leu	Tyr	Asn	Ala	Pro	Pro	Ala	Ser	Tyr	Arg	Asn	His	Asp	King Salmon ORF								
361	Val	Met	Ile	Cys	Val	Val	Trp	Leu	Tyr	Asn	Ala	Pro	Pro	Ala	Ser	Tyr	Arg	Asn	His	Asp	Pink Salmon ORF								
361	Val	Met	Ile	Cys	Val	Val	Trp	Leu	Tyr	Asn	Ala	Pro	Pro	Ala	Ser	Tyr	Arg	Asn	His	Asp	Sockeye Salmon ORF								
361	Val	Met	Ile	Cys	Val	Val	Trp	Leu	Tyr	Asn	Ala	Pro	Pro	Ala	Ser	Tyr	Arg	Asn	His	Asp	Trout ORF								
150															160														
421	Ile	Asp	Glu	Ile	Ile	Phe	Ile	Thr	Cys	Asn	Glu	Gly	Ser	Met	Met	Ala	Leu	Gly	Phe	Leu	Atlantic Salmon ORF								
421	Ile	Asp	Glu	Ile	Ile	Phe	Ile	Thr	Cys	Asn	Glu	Gly	Ser	Met	Met	Ala	Leu	Gly	Phe	Leu	Char ORF								
421	Ile	Asp	Glu	Ile	Ile	Phe	Ile	Thr	Cys	Asn	Glu	Gly	Ser	Met	Met	Ala	Leu	Gly	Phe	Leu	Chum Salmon ORF								
421	Ile	Asp	Glu	Ile	Ile	Phe	Ile	Thr	Cys	Asn	Glu	Gly	Ser	Met	Met	Ala	Leu	Gly	Phe	Leu	Coho Salmon ORF								
421	Ile	Asp	Glu	Ile	Ile	Phe	Ile	Thr	Cys	Asn	Glu	Gly	Ser	Met	Met	Ala	Leu	Gly	Phe	Leu	King Salmon ORF								
421	Ile	Asp	Glu	Ile	Ile	Phe	Ile	Thr	Cys	Asn	Glu	Gly	Ser	Met	Met	Ala	Leu	Gly	Phe	Leu	Pink Salmon ORF								
421	Ile	Asp	Glu	Ile	Ile	Phe	Ile	Thr	Cys	Asn	Glu	Gly	Ser	Met	Met	Ala	Leu	Gly	Phe	Leu	Sockeye Salmon ORF								
421	Ile	Asp	Glu	Ile	Ile	Phe	Ile	Thr	Cys	Asn	Glu	Gly	Ser	Met	Met	Ala	Leu	Gly	Phe	Leu	Trout ORF								
170															180														
481	Ile	Gly	Tyr	Thr	Cys	Leu	Leu	Ala	Ala	Ile	Phe	Phe	Phe	Ala	Phe	Lys	Ser	Arg	Lys	Atlantic Salmon ORF									
481	Ile	Gly	Tyr	Thr	Cys	Leu	Leu	Ala	Ala	Ile	Cys	Phe	Phe	Phe	Ala	Phe	Lys	Ser	Arg	Lys	Char ORF								
481	Ile	Gly	Tyr	Thr	Cys	Leu	Leu	Ala	Ala	Ile	Cys	Phe	Phe	Phe	Ala	Phe	Lys	Ser	Arg	Lys	Chum Salmon ORF								
481	Ile	Gly	Tyr	Thr	Cys	Leu	Leu	Ala	Ala	Ile	Cys	Phe	Phe	Phe	Ala	Phe	Lys	Ser	Arg	Lys	Coho Salmon ORF								
481	Ile	Gly	Tyr	Thr	Cys	Leu	Leu	Ala	Ala	Ile	Cys	Phe	Phe	Phe	Ala	Phe	Lys	Ser	Arg	Lys	King Salmon ORF								
481	Ile	Gly	Tyr	Thr	Cys	Leu	Leu	Ala	Ala	Ile	Cys	Phe	Phe	Phe	Ala	Phe	Lys	Ser	Arg	Lys	Pink Salmon ORF								
481	Ile	Gly	Tyr	Thr	Cys	Leu	Leu	Ala	Ala	Ile	Cys	Phe	Phe	Phe	Ala	Phe	Lys	Ser	Arg	Lys	Sockeye Salmon ORF								
481	Ile	Gly	Tyr	Thr	Cys	Leu	Leu	Ala	Ala	Ile	Cys	Phe	Phe	Phe	Ala	Phe	Lys	Ser	Arg	Lys	Trout ORF								
190																													
541	Leu	Pro	Glu	Asn	Phe	Thr	Glu	Ala	Lys	Phe	Ile	Thr	Phe	Ser	Met	Leu	Ile									Atlantic Salmon ORF			
541	Leu	Pro	Glu	Asn	Phe	Thr	Glu	Ala	Lys	Phe	Ile	Thr	Phe	Ser	Met	Leu	Ile									Char ORF			
541	Leu	Pro	Glu	Asn	Phe	Thr	Glu	Ala	Lys	Phe	Ile	Thr	Phe	Ser	Met	Leu	Ile									Chum Salmon ORF			
541	Leu	Pro	Glu	Asn	Phe	Thr	Glu	Ala	Lys	Phe	Ile	Thr	Phe	Ser	Met	Leu	Ile									Coho Salmon ORF			
541	Leu	Pro	Glu	Asn	Phe	Thr	Glu	Ala	Lys	Phe	Ile	Thr	Phe	Ser	Met	Leu	Ile									King Salmon ORF			
541	Leu	Pro	Glu	Asn	Phe	Thr	Glu	Ala	Lys	Phe	Ile	Thr	Phe	Ser	Met	Leu	Ile									Pink Salmon ORF			
541	Leu	Pro	Glu	Asn	Phe	Thr	Glu	Ala	Lys	Phe	Ile	Thr	Phe	Ser	Met	Leu	Ile									Sockeye Salmon ORF			
541	Leu	Pro	Glu	Asn	Phe	Thr	Glu	Ala	Lys	Phe	Ile	Thr	Phe	Ser	Met	Leu	Ile									Trout ORF			

Decoration 'Decoration #1': Shade (with black at 40% fill) residues that differ from the Consensus.

FIG. 27B

aattccggtt	ctgtcgggtc	agtcgaagtc	tctccagtg	caaatgaga	aatggtggtc	60
gccattacag	gaacatgcac	tacatctgtg	ttaatgaaat	attgtcagtt	atctgaaggt	120
tattaaaatg	tttctgcaag	gatggcttca	cgagaaatca	attctgcacg	ttttccatt	180
gtcattgtat	gaataactga	ccaaagggat	gtaacaaaat	ggaacaaagc	tgaggaccac	240
gttcacccct	tcttgagca	tacgatcaac	cctgaaggag	atggaagact	tgaggaggaa	300
atggggattg	atcttcagg	agttctgctg	taaagcgatc	cctcaccatt	acaaagataa	360
gcagaaatcc	tccaggcatc	ctctgtaaac	gggtcggcgt	agtgtggcct	ggtcaaggaa	420
cagagacagg	gctgcacaat	ggctcagctt	cactgccaac	tcttattctt	gggatttaca	480
ORF						
ctctacagt	cgtacaatgt	ctcaggggtat	ggtccaaacc	aaagggccca	gaagaaagga	540
gacatcatac	tgggaggtct	cttcccaata	cactttggag	tagccgcca	ggatcaggac	600
ttaaaatcga	gaccggaggc	gacaaaatgt	attcgggtaca	atcttcgagg	cttcgatgg	660
ctccaggcga	tgatatcgcc	aattgaagag	attaacaaca	gtatgacttt	cctgccaat	720
atcacccctg	gatatcgcat	atttgacacg	tgtaacaccg	tgtccaaggc	gctagaggca	780
acactcagct	ttgtggccca	gaacaaaatc	gactcgctga	acttagatga	gttctgtaac	840
tgctctgacc	atatcccatc	cacaatagca	gtggtcgggg	caaccgggtc	aggaatctcc	900
acggctgtgg	ccaatctatt	gggattatct	tacattccac	aggteagcta	tgctctctcg	960
agcaggctgc	tcagcaacaa	gaatgagtac	aaggccttcc	tgaggaccat	ccccaatgat	1020
gagcaacagg	ccacggccat	ggccgagatc	atcagacact	tcagtgga	ctgggtggga	1080
acccctggcag	ccgacgatga	ctatggccgc	ccaggcattg	acaagtcccg	ggaggaggcc	1140
gttaagaggg	acatctgtat	tgacttcagt	gagatgatct	ctcagtacta	caccagaag	1200
cagttggagt	tcacgcgccg	cgtcatccag	aactcctcgg	ccaaggtcat	cgtggtcttc	1260
tccaatggcc	ccgacctgga	gccgctcatc	caggagatag	ttcggagaaa	catcaccgat	1320
cggatctggc	tggccagcga	ggcttggggc	agctcttcgc	tcattgcca	gccagagtac	1380
ttccacgtgg	tggggccac	catcggtctc	gctctcaggg	cggggcgat	cccagggttc	1440
aacaagtctc	tgaaggaggt	ccaccccgag	aggtcctcgg	acaatgggtt	tgtcaaggag	1500
ttctgggagg	agaccttcaa	ctgctacttc	accgagaaga	ccctgacgca	gctgaagaat	1560
tccaaggtgc	cctcgacagg	accggcggct	caaggggacg	gctccaaggc	ggggaactcc	1620
agacggacag	ccctacgcca	cccctgcact	ggggaggaga	acatcaccag	cgtggagacc	1680
ccctacctgg	attatacaca	cctgaggatc	tcttacaatg	tatacgtggc	cgtctactcc	1740
attgctcacc	ccctgcaaga	catccactct	tgcaaacccg	gcacgggcat	ctttgcaaac	1800
ggatcttctg	cagatattaa	aaaagttgag	gcctggcagg	tctcaacca	tctgctgcat	1860
ctgaagttaa	ccaacagcat	gggtgagcag	gttgactttg	acgatcaagg	tgacctcaag	1920
gggaactaca	ccattatcaa	ctggcagctc	tcgcgagagg	atgaatcggt	gttgttccat	1980
gaggtgggca	actacaacgc	ctacgctaag	cccagtgacc	gactcaacat	caacgaaaag	2040
aaaatcctct	ggagtggctt	ctccaaagtg	gttcctttct	ccaactgcag	tcgagactgt	2100
gtgcccggca	ccaggaaggg	gatcatcgag	ggggagccca	cctgctgctt	tgaatgcatg	2160
gcatgtgcag	agggagaggt	cagtgatgaa	acgatgcaa	gtgcgtgtac	aaagtgcctg	2220
aatgatttct	ggtcgaatga	gaaccacacg	tcgtgcacgc	ccaaggagat	cgagtacctg	2280
tcgtggacgg	agcccttcgg	gatcgctctg	accatcttcg	ccgtactggg	catcctgatc	2340
acctcctctg	tgctgggggt	cttcatcaag	ttcaggaaca	ctccatcgt	gaaggccacc	2400
aaccgggagt	tgctctacct	gctgctcttc	tcctcatct	gctgcttctc	cagctcgctc	2460
atcttcatcg	gcgagcccg	ggactggacc	tgctcgctcc	gccaacgggc	ctttggcatc	2520
agcttcgctc	tgctcatctc	ctgcactctg	gtgaagacca	accgggtgct	gctggtcttc	2580
gaggccaaga	tccccaccag	cctccaccgc	aagtgggtgg	gcctcaacct	gcagttcttc	2640
ctggtctctc	tctgcatcct	gggtgcaaat	gtcacctgca	tcactgtggt	ctacaccgcg	2700
cctccctcca	gctacaggaa	ccatgagctg	gaggacgagg	tcacttctat	cacctgcgac	2760
gagggtctgc	tcattggcgt	gggtctcttc	atcggtctaca	cctgctctct	cgccgccatc	2820
tgcttctctc	tcgcttccaa	gtcccgtaag	ctgcccggaga	acttcaacga	ggctaagttc	2880
atcaccttca	gcatgttgat	cttcttcatc	gtctggatct	ccttcatccc	cgctatgtc	2940
agcacctacg	gcaagtttgt	gtcgcccggtg	gaggtgattg	ccatcctggc	ctccagcttc	3000
gggtctgctg	gctgcattta	cttcaacaag	tggtacatca	tctgttccaa	gccgtgccgt	3060
aacaccatcg	aggagggtcg	ctgcagcag	gcggcccacg	ccttcaagggt	ggcgggcccg	3120
gccacctctc	ggcgagcgc	cgcgtctcgc	aagcgtctca	gcagcctgtg	cggctccacc	3180
atctcctcgc	ccgcctcgtc	cacctgcggg	ccgggcctca	ccatggagat	gcagcgtcgc	3240

FIG. 28A

Docket No.: 2213.1004-012

Title: METHODS FOR RAISING...

Inventors: H. William Harris, Jr., *et al.*

```
agcacgcaga aggtcagctt cggcagcggc accgtcaccc tgctcgctcag cttcgaggag 3300
acaggccgat acgccaccct cagccgcacg gcccgcagca ggaactcggc ggatggccgc 3360
agcggcgacg aoctgccatc tagacaccac gaccagggcc cgcctcagaa atgcgagccc 3420
cagcccgcga acgatgcccg atacaaggcg gcgcgcacca agggcacccct agagtgcgcg 3480
ggcggcagca aggagcggcc cacaactatg gaggaaccc aatccaactc ctccatcaac 3540
cccaagaaca tcctccacgg cagcacccgc gacaactgac atcaactcct aaccggtggc 3600
tgcccaacct ctccctctc cggcactttg cgttttgetg aagattgcag catctgcagt 3660
tccttttatc cctgattttc tgacttggat atttactagt gtgcgatgga atatcacaac 3720
ataatgagtt gcacaattag gtgagcagag ttgtgtcaaa gtatctgaac tatctgaagt 3780
atctgaacta ctttattctc tcgaattgta ttacaaacat ttgaagtatt tttagtgaac 3840
ttatgttcta acattgtcaa gataatttgt tacaacatat aagggtaccac ctgaagcagt 3900
gactgagatt gccactgtga tgacagaact gttttataac atttatcatt gaaacctgga 3960
ttgcaacagg aatataatga ctgtaacaaa aaaattgttg attatcttaa aaatgcaaat 4020
tgtaatcaga tgtgtaaaaa ttgtaattac ttctgtacat taaatgcata tttcttgata 4080
aaaaaaaaa aaaaaaaaaa aaaaaaaaaa aaaaaagcgg cccgacagca acgg 4134
```

FIG. 28B